



国家数学与交叉科学中心
中国科学院数学与系统科学研究院



数学模型与生物大数据分析研讨会

2018.4.12-13 新南楼, 中国科学院数学与系统科学研究院

4月12日 (南楼205)

- 9:00 – 9:10 开幕式
- 9:10 – 10:00 **杨子恒** 英国伦敦大学学院
多物种溯祖过程和物种树估计
- 10:00 – 10:30 茶歇
- 10:30 – 11:20 **Bruce Rannala** 加州大学戴维斯分校
多物种溯祖过程下的MCMC方法研究
- 11:20 – 12:00 **葛颢** 北京大学
单细胞动力系统的速率涨落模型
- 12:30 – 14:30 午餐
- 14:30 – 15:00 **张世华** 中国科学院数学与系统科学研究院
矩阵分解与生物数据整合
- 15:00 – 15:30 **邓明华** 北京大学
成分数据网络推断及其在宏基因组数据中的应用
- 15:30 – 16:00 茶歇
- 16:00 – 16:30 **李雷** 中国科学院数学与系统科学研究院
用双重特征分析揭示高脂饮食诱发2型糖尿病的分子机制
- 16:30 – 17:00 **倪旭敏** 北京交通大学
基于祖先DNA片段推断多波人口混合历史
- 17:30 晚餐

4月13日 (南楼204)

- 9:30 – 10:00 **洪柳** 清华大学
蛋白质聚集的动力学研究
- 10:00 – 10:30 **朱天琪** 中国科学院数学与系统科学研究院
贝叶斯模型选择的病态渐进行为研究
- 10:30 – 11:00 茶歇
- 11:00 – 11:30 **张弛** 中国科学院古脊椎与古人类研究所
贝叶斯方法推断描述网状演化的物种网络
- 11:30 – 12:00 **胡煜成** 清华大学
小鼠胚胎肺发育形态学的建模和模拟
- 12:00 – 2:00 午餐
- 下午 自由讨论

请扫描二维码报名

